

1) 論文業績

1. Mizuta I, Takafuji K, Ando Y, Satake W, Kanagawa M, Kobayashi K, Nagamori S, Shinohara T, Ito C, Yamamoto M, Hattori N, Murata M, Kanai Y, Murayama S, Nakagawa M, Toda T. (2013). YY1 binds to α -synuclein 3'-flanking region SNP and stimulates antisense noncoding RNA expression. *J Hum Genet.* 58 (11): 711-719. doi: 10.1038/jhg.2013.90.
2. Multiple-System Atrophy Research Collaboration. (2013). Mutations in COQ2 in familial and sporadic multiple-system atrophy. *N Engl J Med.* 369 (3): 233-244. doi: 10.1056/NEJMoa1212115.
3. Saida K, Inaba Y, Hirano M, Satake W, Toda T, Suzuki Y, Sudo A, Noda S, Hidaka Y, Hirabayashi K, Imai H, Kurokawa T, Koike K. (2013). A case of Bardet-Biedl syndrome complicated with intracranial hypertension in a Japanese child. *Brain Dev.* S0387-7604(13)00303-3. doi: 10.1016/j.braindev.2013.10.013.

2) 著書・総説

1. 佐竹 渉、戸田 達史、「神経・精神疾患の動向 神経疾患と遺伝子」, 日本医師会雑誌神経・精神疾患診療マニュアル, 2013, 142, : S38-39
2. 佐竹 渉、「遺伝性疾患の遺伝子検査」, Modern Physician, 2013, 33, 625-628
3. 佐竹 渉、戸田 達史、「ゲノム多様性と神経変性疾患」, 細胞, 2013, 45, 120-123
4. 佐竹 渉、戸田 達史、「ゲノムワイド関連解析からの知見とさらなる孤発性パーキンソン病遺伝子の発見へ向けて PARK16、BST1、 α -synuclein、LRRK2、Tau」, 医学のあゆみ, 2013, 247, 1075-1078

3) 学会発表

1. [国際学会]
Satake W, Ando Y, Tomiyama H, Takeda A, Hasegawa K, Yamamoto M, Murata M, Hattori N, Toda T, Search for rare-variant risks of Parkinson's disease by sequencing of candidate genes and exome sequencing. The MDS 17th International Congress of Parkinson's Disease and Movement Disorders, Sydney Convention and Exhibition Centre, Sydney, Australia, 2013. 6.16-20
2. Satake W, Suzuki Y, Ando Y, Tomiyama H, Yamamoto M, Murata M, Hattori N, Tsuji S, Sugano S, Toda T., Exome sequencing of Parkinson's disease in order to identify genetic variants with high disease-risk., American Society of Human Genetics Annual meeting, Boston Convention & Exhibition

Center, Boston, USA, 2013. 10. 22-26

3. Satake W, Ando Y, Tomiyama H, Suzuki M, Nagai Y, Suzuki Y, Mochizuki H, Murayama S, Takeda A, Hasegawa K, Wada K, Tsuji S, Yamamoto M, Murata M, Hattori N, Toda T. Exome sequencing of Parkinson's disease in order to identify genetic variants with high disease-risk. New Frontier of Molecular Neuropathology, Tokyo Medical and Dental University, M&D Tower, Akio Suzuki Memorial Hall, Tokyo, Japan, 2014. 3. 16-17

[国内学会]

1. 佐竹渉、安藤祐子、鈴木マリ、永井義隆、鈴木穰、山本健、望月秀樹、武田篤、川上秀史、和田圭司、山本光利、村田美穂、服部信孝、戸田達史、「エクソーム解読・一塩基多型解析によるパーキンソン病の遺伝背景の解明」、2013年度 包括脳ネットワーク夏のワークショップ 名古屋国際会議場 名古屋、2013. 8. 29-9. 1
2. 上田健博、関恒慶、佐竹渉、古和久朋、苺田典生、陣内研二、戸田達史、「剖検脳を用いた孤発性パーキンソン病感受性遺伝子の解析」、第54回日本神経学会学術大会 東京国際フォーラム 東京、2013. 5. 29-6. 1
3. 佐竹渉、戸田達史、「パーキンソン病および認知機能関連分子とパーソナルゲノム解析」新学術領域研究「脳疾患ゲノム情報」平成25年度第1回班会議、東京大学 東京、2013. 8. 3
4. 佐竹渉、戸田達史、「パーキンソン病および認知機能関連分子とパーソナルゲノム解析」新学術領域研究「脳疾患ゲノム情報」平成25年度第2回班会議、東京大学 東京、2014. 3. 8
5. 佐竹渉、戸田達史、「孤発性パーキンソン病のゲノム解析」、次世代シーケンサーを用いた孤発性の神経難病の発症機構の解明に関する研究班会議 平成25年度班会議 神戸大学 神戸、2014. 2. 28
6. 佐竹渉、安藤祐子、富山弘幸、望月秀樹、村山繁雄、中島健二、川上秀史、小幡文弥、長谷川一子、武田篤、辻省次、山本光利、村田美穂、服部信孝、戸田達史、「孤発性パーキンソン病のゲノム解析」、神経変性疾患に関する調査研究班 平成25年度班会議 都市センターホテル 東京、2013. 12. 20-21

4) 招待講演・セミナー

なし

5) 研究助成金

1. 平成25-27年度 文部科学省科学研究費補助金 若手研究(A)「統合ゲノム解析によるパーキンソン病の遺伝子同定と個別化医療開発」 課題番号: 25713015 研究

代表者 佐竹渉

2. 平成 25-26 年度 文部科学省科学研究費補助金 新学術領域研究（研究領域提案型）「ゲノム解読によるパーキンソン病の選択的神経変性の解明」 課題番号：25110720 研究代表者 佐竹渉
3. 平成 25-26 年度 文部科学省科学研究費補助金 挑戦的萌芽研究「先端ゲノムによる家族性神経疾患遺伝子の発見と新しい家系解析方法論の開発」 課題番号：25670420 研究代表者 佐竹渉

6) 特許

なし

7) その他の業績（マスコミ発表、アウトリーチ活動、学会主催、受賞 etc.）

臨床遺伝専門医、神経内科指導医を取得