

*5 全エクソーム解析

ヒトゲノムのうちタンパク質をコードするエクソン領域(エクソーム)とその近傍を選択的にキャプチャーして、網羅的に遺伝子解析を行う方法である。

*6 CRISPR/cas9 システム

切断したい標的塩基配列を含む guide RNA と Cas9 タンパク質により、ゲノム上の任意の配列を切断することができる遺伝子改変ツール(ゲノム編集ツール)である。

【論文情報】

掲載誌: Journal of Experimental Medicine

論文タイトル: Gain-of-function *IKBKB* mutation causes human combined immune deficiency

【研究者プロフィール】

金兼 弘和 (カネガネ ヒロカズ) Kanegane Hirokazu

東京医科歯科大学

小児地域成育医療学講座 寄附講座特任教授

・研究領域

原発性免疫不全症・感染症



谷田 けい(タニタ ケイ) Kay Tanita

東京医科歯科大学

発生発達病態学分野 大学院生

・研究領域

原発性免疫不全症・感染症

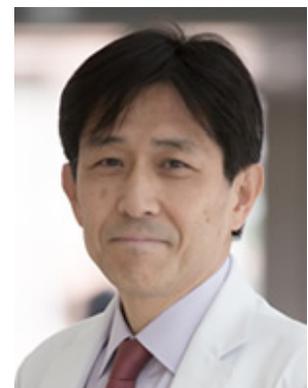
森尾 友宏 (モリオ トモヒロ) Morio Tomohiro

東京医科歯科大学

発生発達病態学分野 教授

・研究領域

原発性免疫不全症・再生医療



【問い合わせ先】

<研究に関すること>

東京医科歯科大学大学院医歯学総合研究科

小児地域成育医療学講座 金兼 弘和(カネガネ ヒロカズ)

TEL & FAX: 03-5803-5244

E-mail: hkanegane.ped@tmd.ac.jp

<報道に関すること>

東京医科歯科大学 総務部総務秘書課広報係

〒113-8510 東京都文京区湯島 1-5-45

TEL:03-5803-5833 FAX:03-5803-0272

E-mail:kouhou.adm@tmd.ac.jp